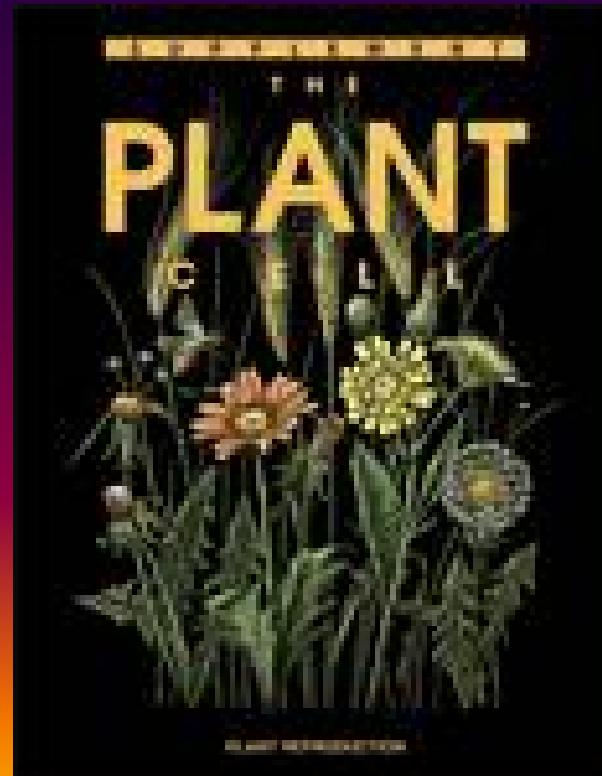


4) Reprodukce rostlin

- g) Tvorba semen
- h) Dozrávání embrya
- i) Vývoj endospermu



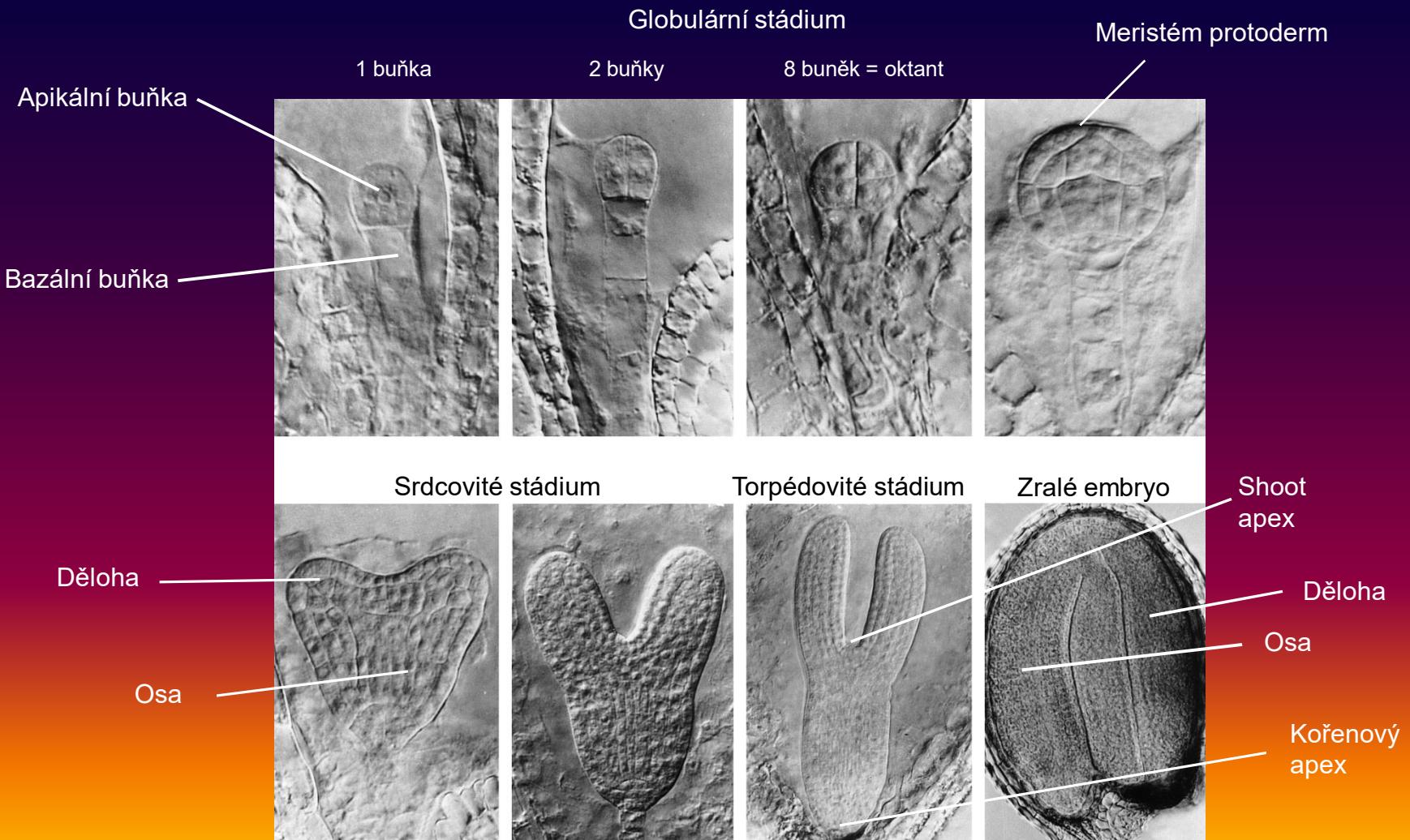
Martin Fellner
Laboratoř růstových regulátorů
PřF UP v Olomouci a ÚEB AVČR

g) Tvorba semen

Semeno krytosemenných:

- embryo
- endosperm
- testa (obal)

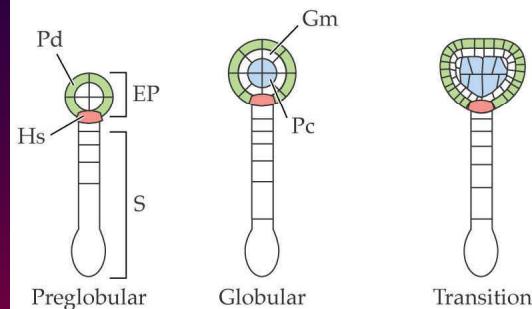
Vývoj embrya



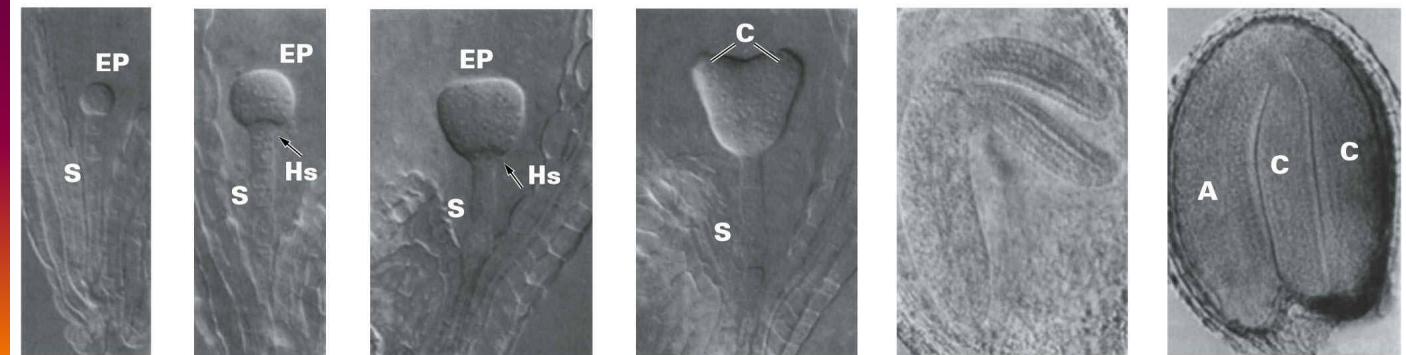
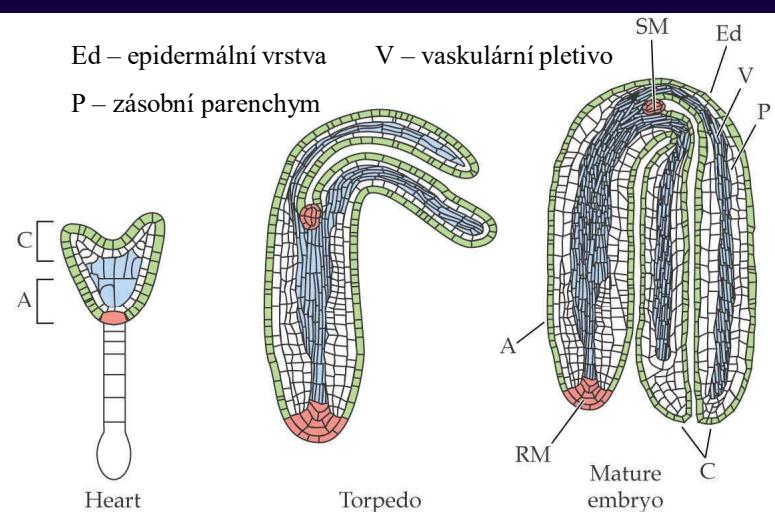
3 fáze embryogeneze na histologické úrovni:

- diferenciace pletiv
- zvětšování buněk
- zrání embryo

Pd - protoderm EP – preglobulární stádium embryo
 Hs - hypofýza Gm – bazální meristém
 S – suspenzor Pc – prokambium



Ed – epidermální vrstva V – vaskulární pletivo
 P – zásobní parenchym



Diferenciace pletiv:

- několikanásobné dělení oplodněného vajíčka
- diferenciace a formování embryonických pletiv (4 stádia) včetně suspenzoru

Zvětšování buněk:

- ukládání rezerv během torpédotovitého stádia

Zrání embryo:

- ukončení vývojových procesů; embryo připraveno k vysychání

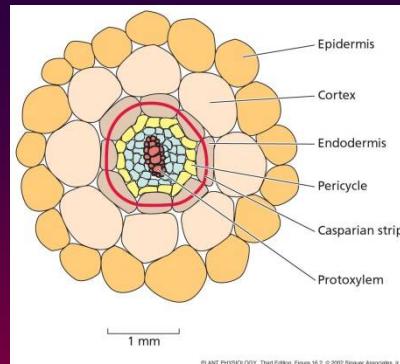
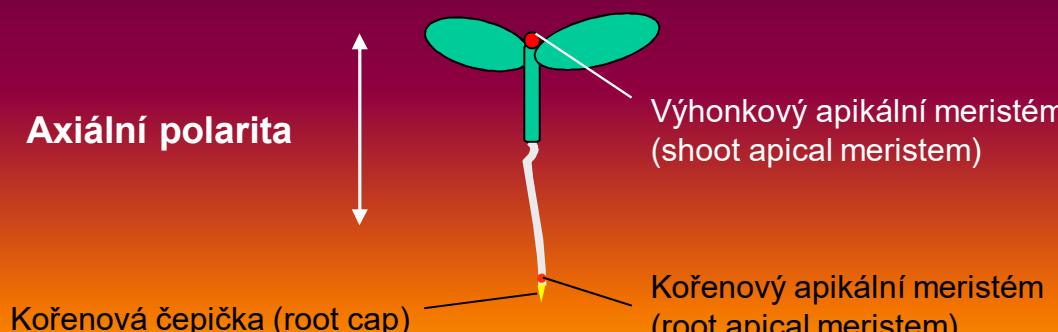
Identifikace mutantů s defektem v regulaci vývoje embrya

Genetická a molekulární charakteristika mutantů

Identifikace genů kontrolujících: **ranný vývoj embrya**
dozrávání embrya

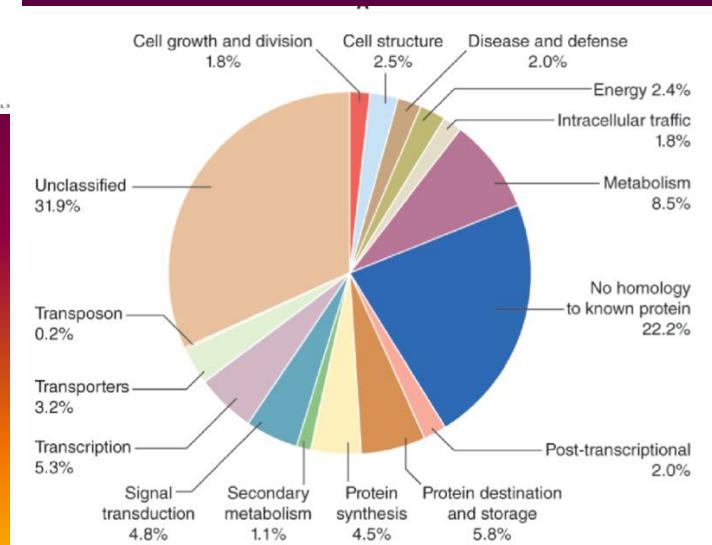
Embryogeneze zakládá:

- axiální (apical-basal) orientaci rostliny
- radiální podobu rostliny
- meristémy - aktivní až po klíčení



Radiální polarita

Spektrum exprese genů v suspenzoru během vývoje globulárního stádia embrya sóji.

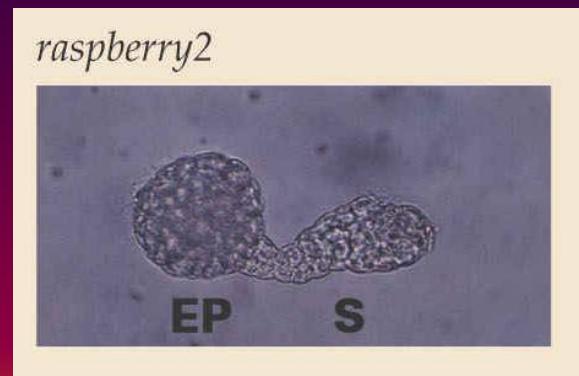


Geny nutné v ranných stádiích vývoje embrya

Mutant ***raspberry2*** – morfologická zástava vývoje embrya v globulárním stádiu; vytváří se však meristémy, které dokončují buněčnou diferenciaci; abnormalní vývoj suspenzoru

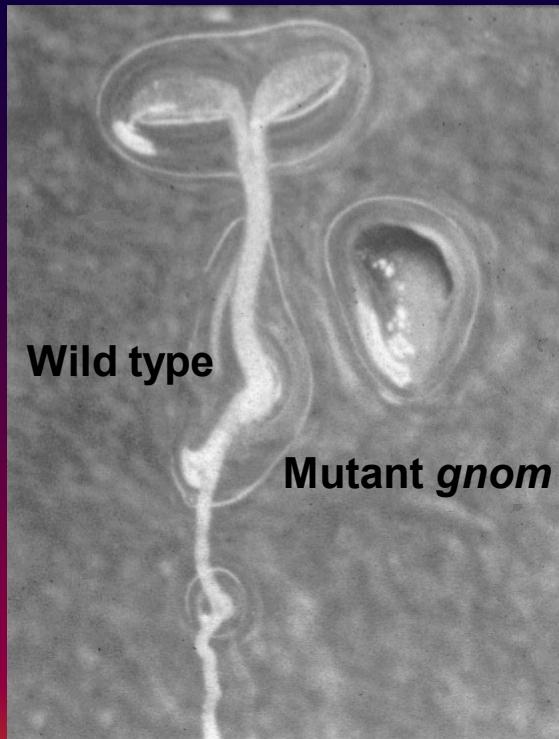


RASPBERRY2 – kontroluje diferenciaci pletiv
a morfologický vývoj



Yadegari R (1994) Plant Cell 6: 1713-1729

Geny zapojené v axilální polaritě

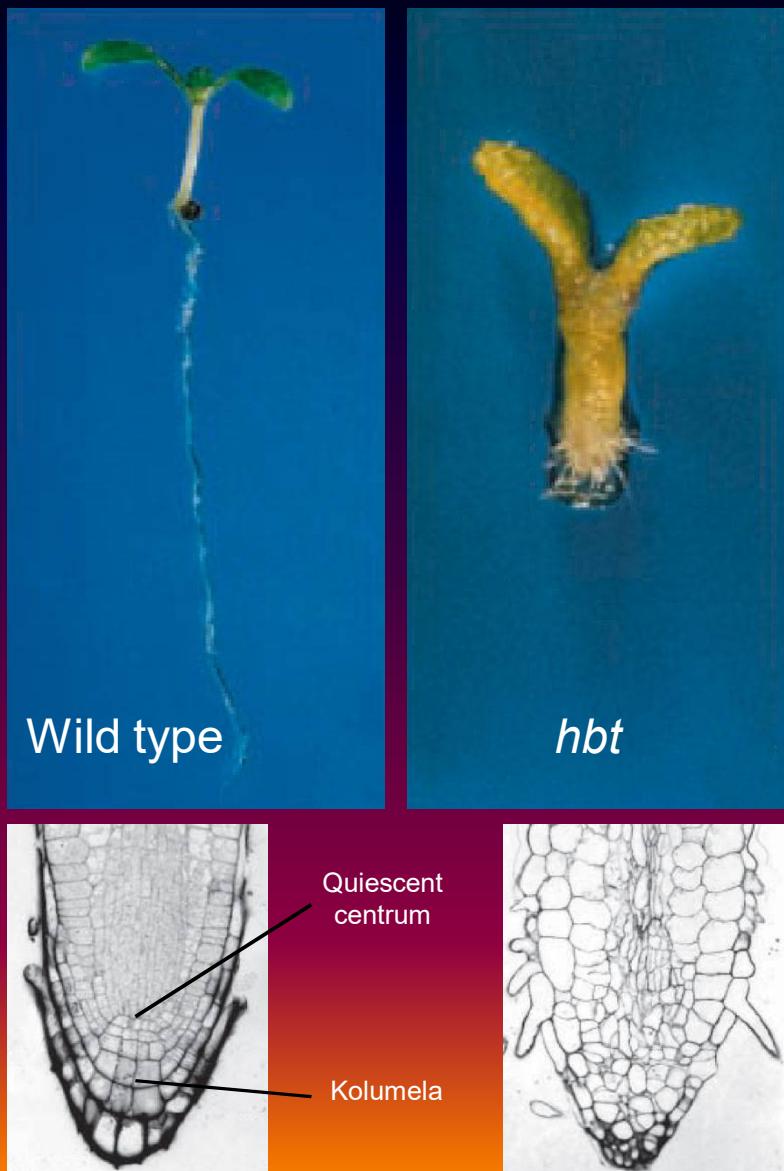


gnom - mutant
GNOM - gen
GNOM - protein

Mutant ***gnom*** nevytváří dělohy a kořen = chybí axiální polarita



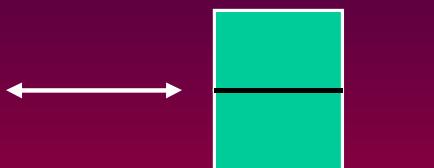
Gen ***GNOM*** kontroluje apikálně-bazální polaritu



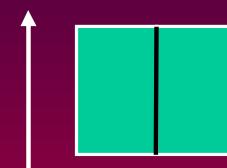
U mutanta ***hobbit*** (*hbt*) se buňky prekurzoru hypofýzy dělí vertikálně místo horizontálně => hypofýza se nevytváří => kořenový meristém nemá **quiescent centrum** a kolumelu = kořen se neprodlužuje



Gen ***HOBBIT (HBT)*** hraje roli ve formování apikálního kořenového meristému



Horizontální dělení



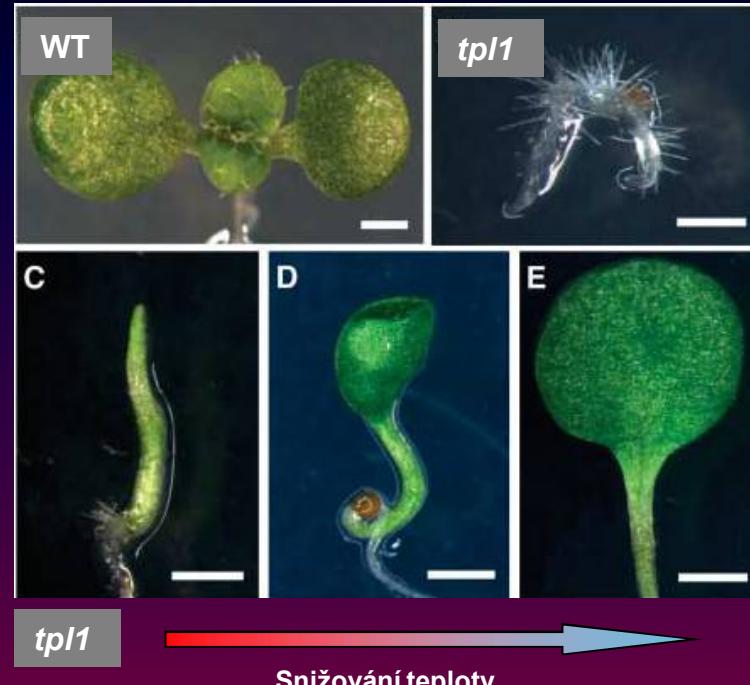
Vertikální dělení

Quiescent (klidné) centrum = centrální buňky meristému, které se dělí pomaleji než buňky okolní.

Mutant *topless1* – místo děloh se tvoří kořen; chybí exprese genů spojených s vývojem apikální části embrya, kdežto exprese genů spojených s vývojem bazální části embrya expanduje do apikální části.



TOPLESS1 (TPL1) - nutný k potlačení exprese genů indukujících vývoj kořenů v apikální části embrya = umožňuje správný vznik stonkového pólu embrya (rostliny)



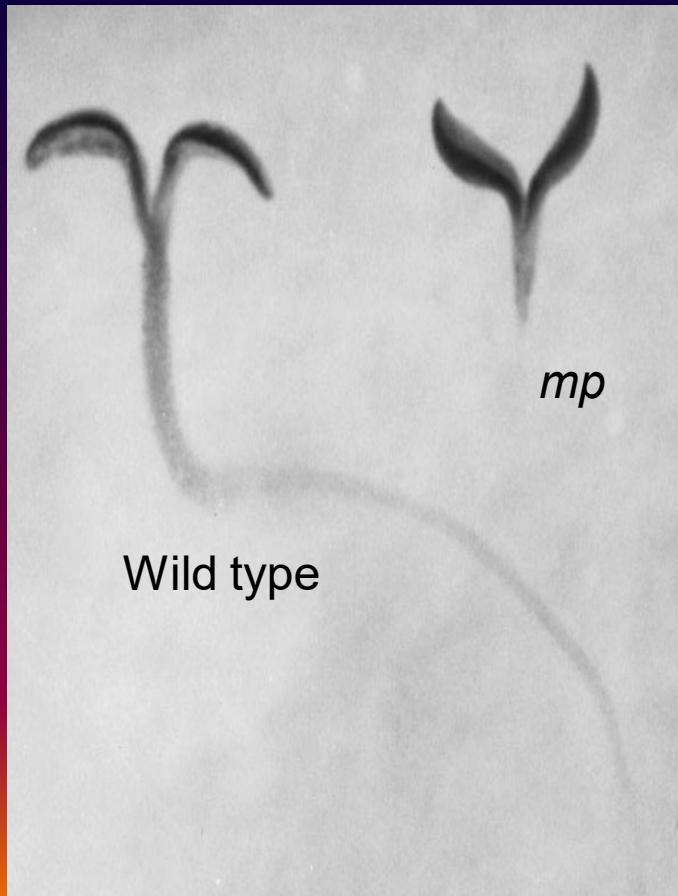
ARF5/MP - transkripční faktor
(auxin-responsive faktor)

IAA12/BDL - represor

TPL - co-represor



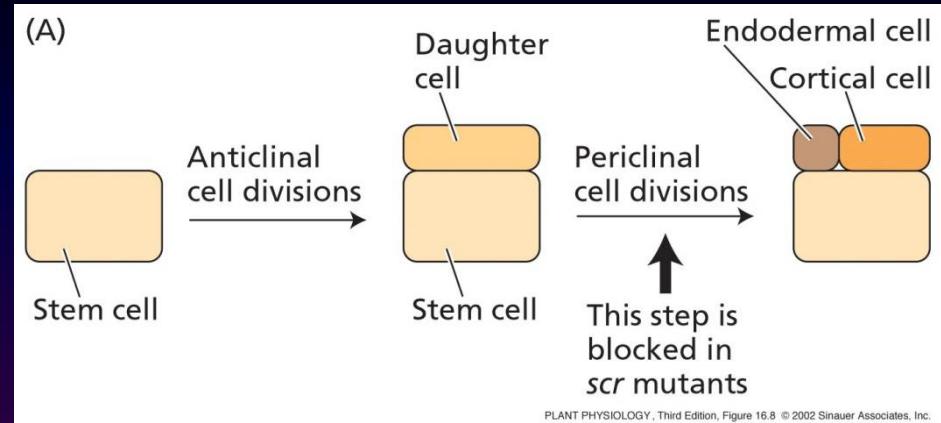
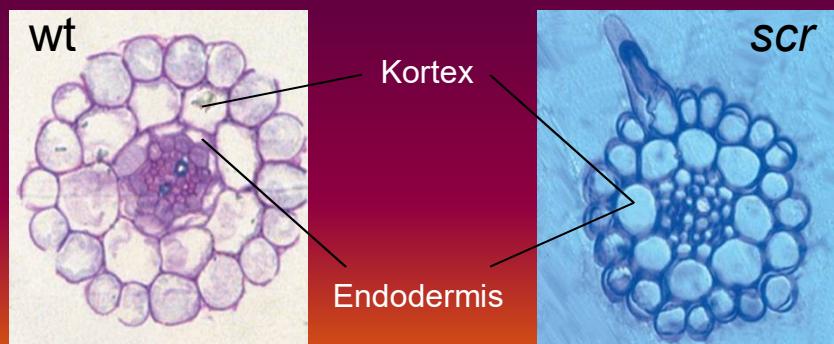
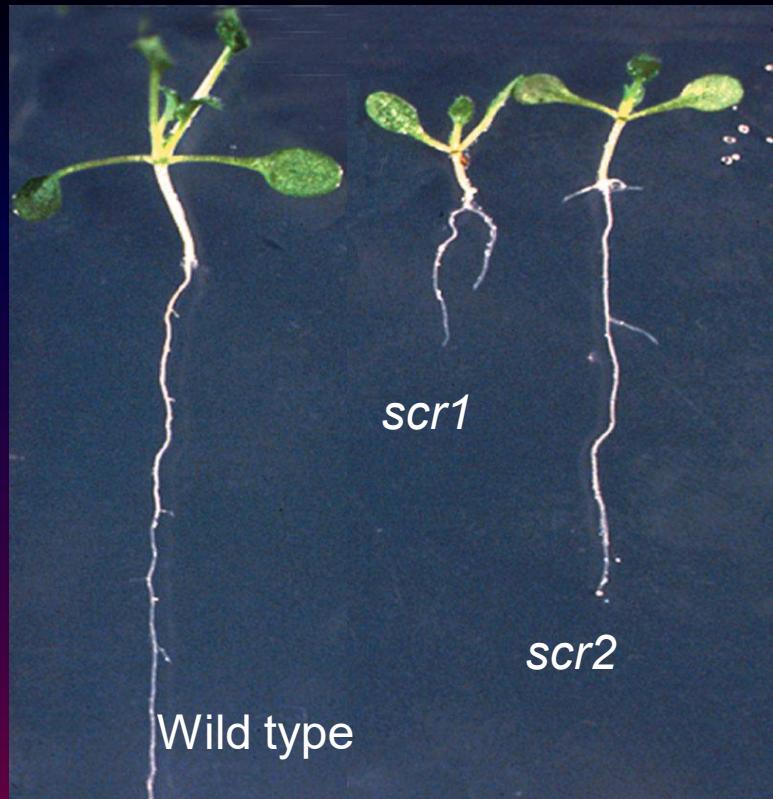
Geny zapojené v radiální polaritě



Mutant ***monopteros* (*mp*)** nevytváří kořen; globulární embryo netvoří prokambium = část, která dává vznik embryonálnímu kořenu



Gen ***MONOPTEROS* (*MP*)** je nutný k formování embryonálního kořene



Mutanti ***scarecrow (scr)*** a ***short root (shr)*** ukazují blokádu periklinálního dělení kmenových buněk v kořeni => kortikální a endodermální buňky splývají => kořen je křehký => roste pomalu



Geny ***SCR*** a ***SHR*** jsou nutné k založení radiálního uspořádání kořene během embryogeneze a post-embryogeneze

Update 2018

Salvi E et al. (2018) Plant Signaling & Behavior 13: e1507402



SCR a SHR kontrolují rovnováhu auxinů a cytokininů nutnou pro specifikaci kmenových buněk.

Další geny určující vývoj embrya

PLETHORA (PLT) – funkčně doplňuje *SCR* a *SHR*; transkripční faktor - hraje roli v určení pozice kořenových kmenových buněk

Proteiny *PLT1* – *PLT4* spolu interagují – síla interakce (= gradient exprese) určuje osud kmenových buněk

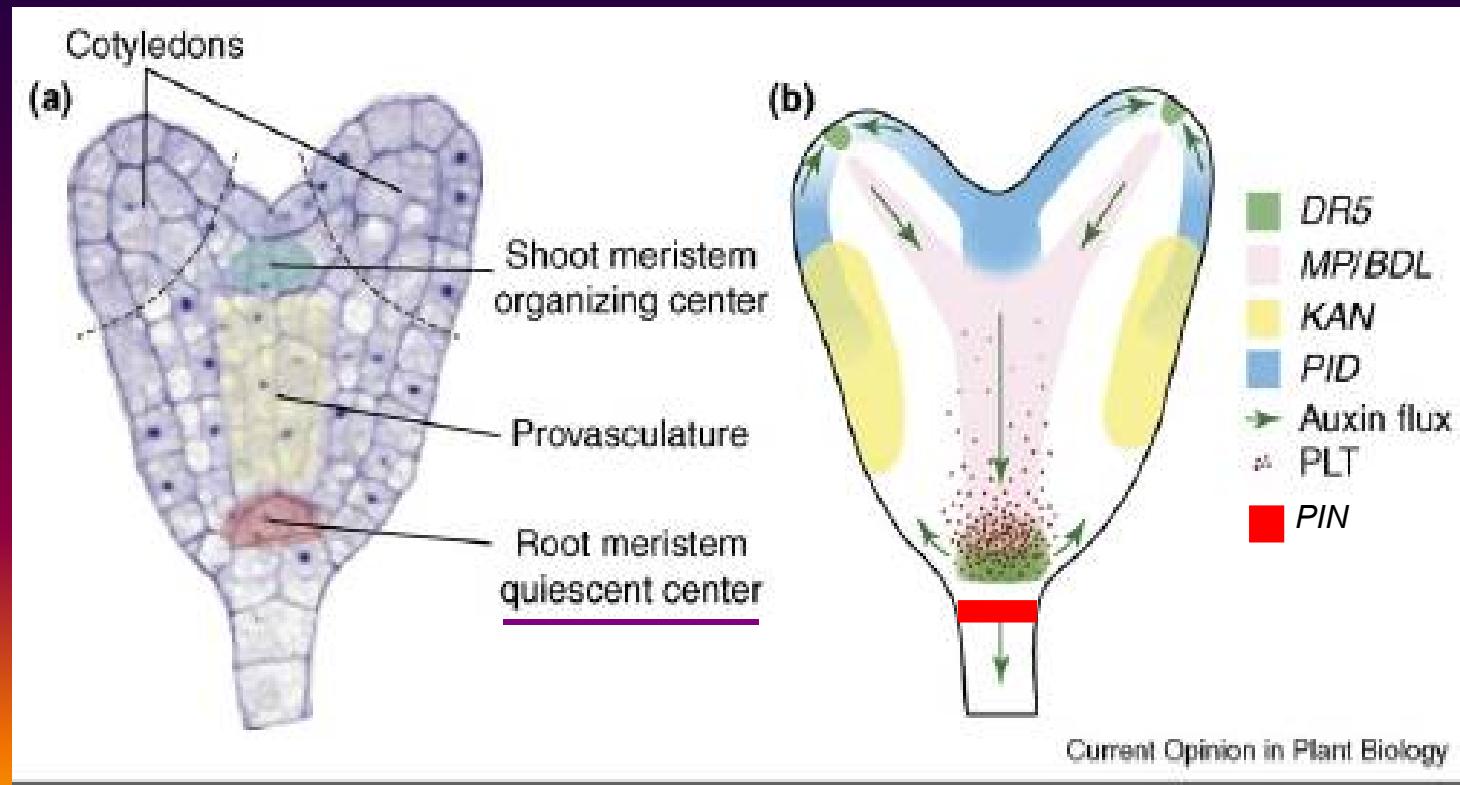
Hladina exprese *PLT* genů:

- Vysoká - udržování identity kmenových buněk
- Nízká - stimulace mitotické aktivity dceřiných kmenových buněk
- Nejnižší - diferenciace kmenových buněk

PLT1 - *PLT3* kontrolují expresi genů *PIN* *PLETHORA* —————→ *PIN*

Maximum akumulace proteinů **PLETHORA** v **quiescent centru** – gradient akumulace určuje osud kmenových buněk

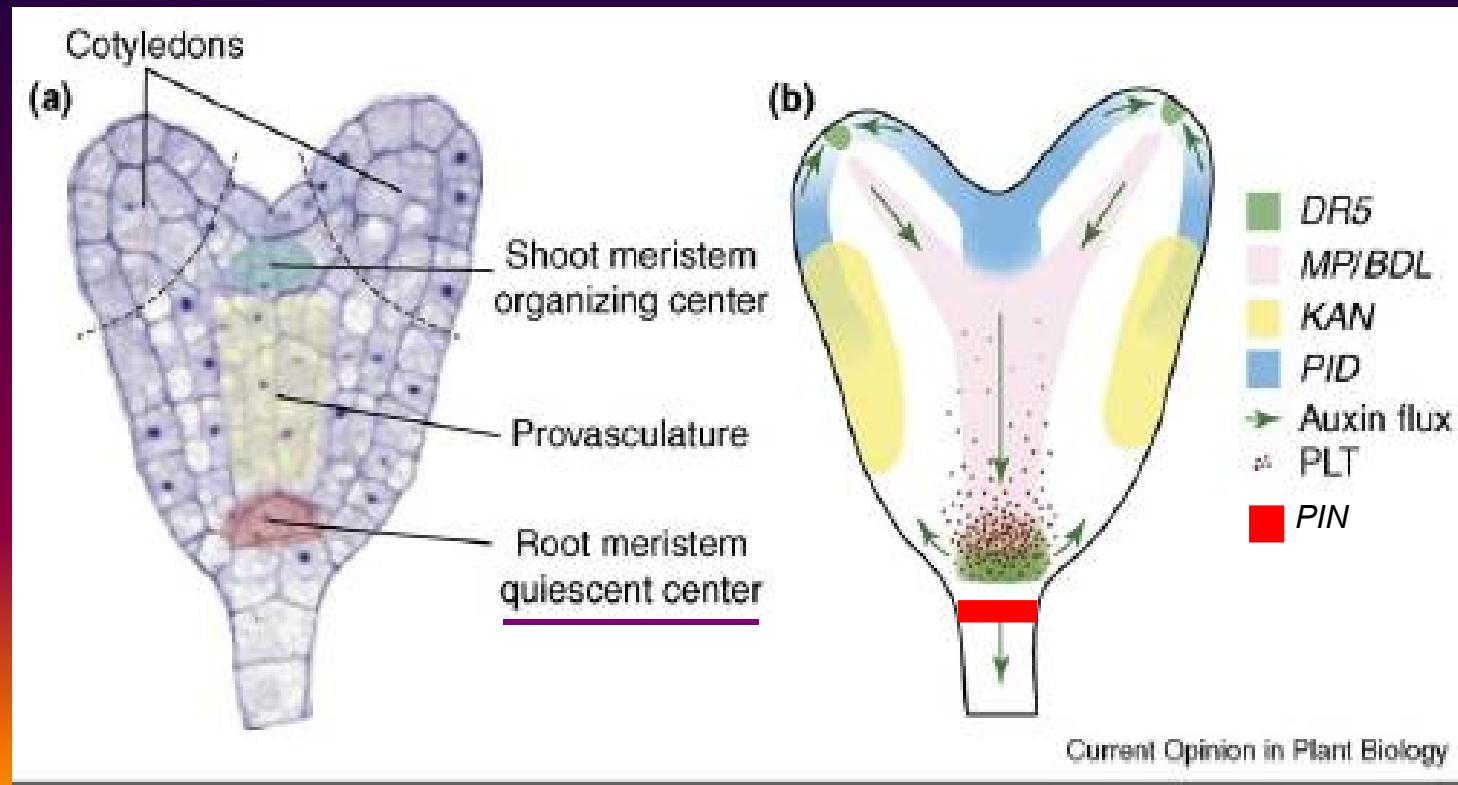
Exprese **PLETHORA** – pravděpodobně určována auxinem prostřednictvím **MONOPTEROS**



KANADI – kontroluje radiální polaritu embrya

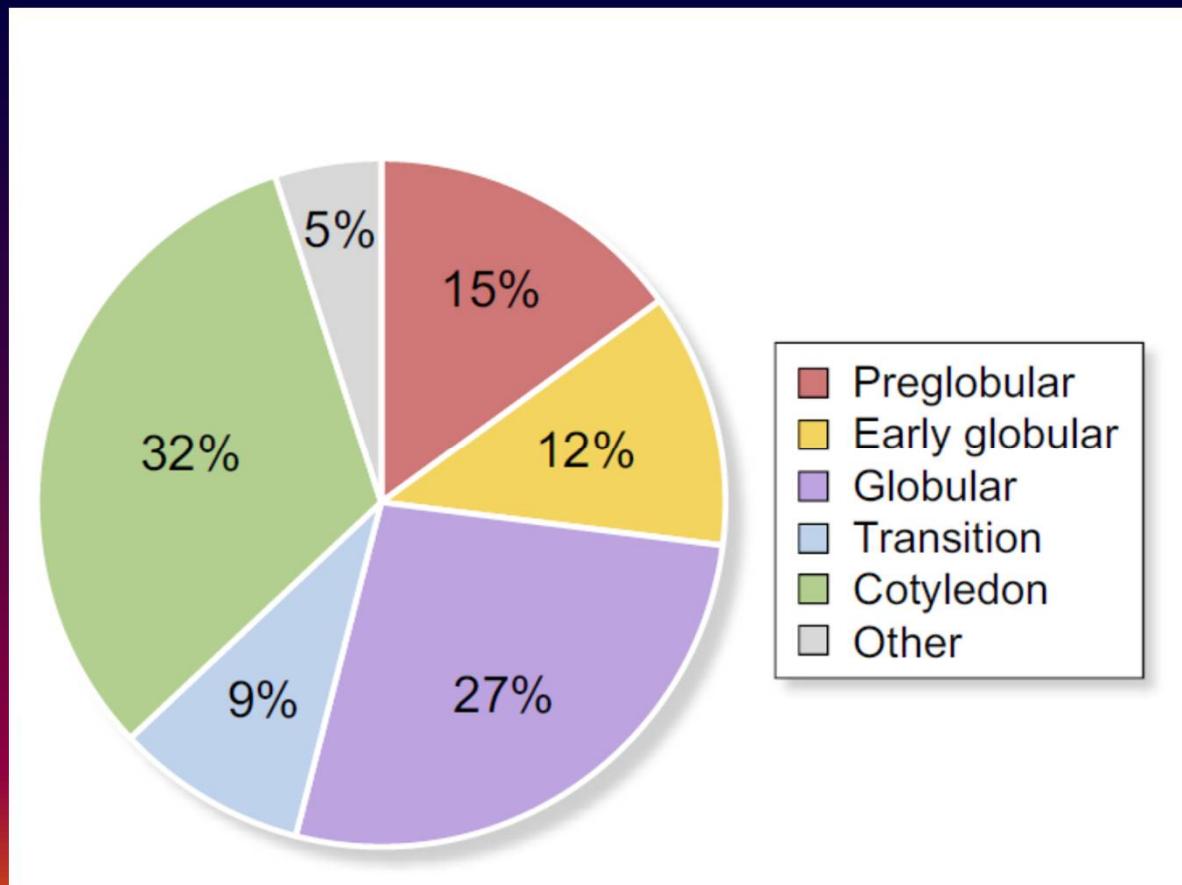
Časová a prostorová exprese *KANADI* je kontrolována auxinem prostřednictvím PIN proteinů

KANADI potlačuje citlivost k auxinu na okrajích děloh



Update 2019

Meinke DW (2019) New Phytologist 226: 306-325



David Meinke
Oklahoma State
University

510 genů zapojených do vývoje embrya (EMB –Embryo-Defective)

h) Dozrávání embrya

Zrání embrya se vyznačuje tím, že se embryo stává dormantním – má asi 20 tisíc buněk. Dormance nastává při ztrátě vody, zastavení transkripce a syntézy určitých proteinů v embryu. Naopak, dochází k exprese jiných genů a proteinů spojených s tolerancí k vysychání.

Geny kontrolující pozdní fázi vývoje embrya - dozrávání

***ABI3* (ABscisic acid Insensitive 3)** – kontroluje exprese zásobních proteinů, které se ukládají v dělohách během dozrávací fáze embryogeneze; mutant je necitlivý k ABA



Rohde A et al. (2000) Plant Cell 12: 35-52

FUSCA3 (FUS3) a **LEAFY COTYLEDON1 (LEC1)** – kódují proteiny (transkripční faktory), které fungují jako kritické komponenty v přenosu vnějších i vnitřních signálů během vývoje embrya; exprese je kontrolována transkripčními faktory WRKY.

Mutace v těchto genech mají za následek neschopnost syntetizovat zásobní proteiny a lipidy => neschopnost vydržet vysušení => předčasné klíčení

Gen FUS3 – sensitivní k hormonu ABA, gibberellinům a auxinu; defekt v genu *FUS3* má za následek špatné dozrání embrya a tím špatné formování děloh. Místo děloh se vytváří vegetativní listy.



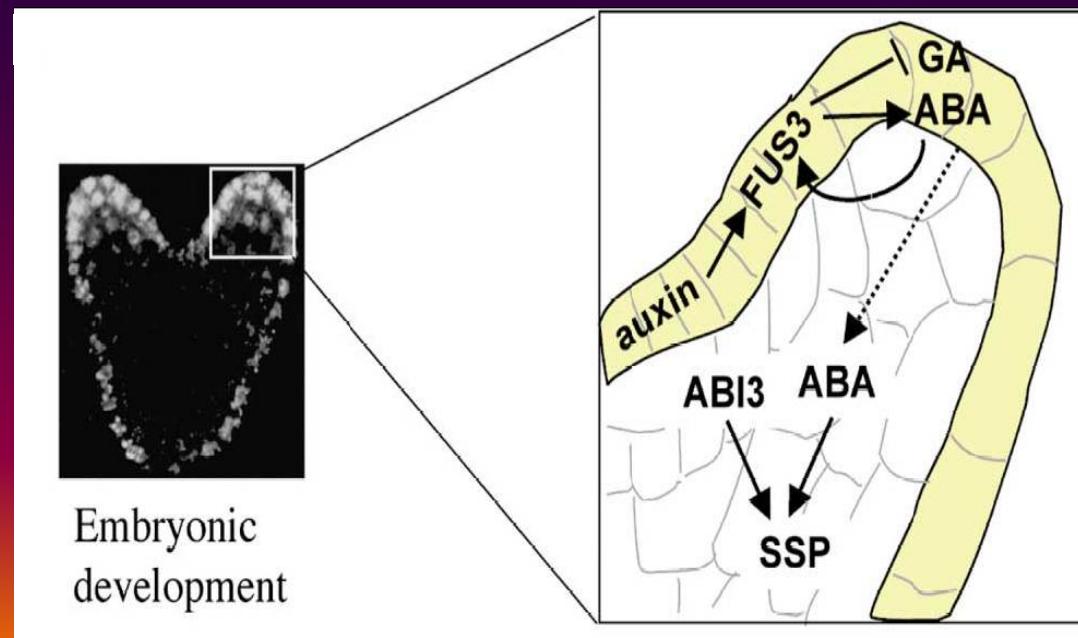
***FUS3* reguluje embryogenezi dvěma cestami:**

- 1)** Kontrolou hladin hormonů ABA, giberelinů, cytokininů a auxinů.
- 2)** Přímou aktivací genů zapojených v dozrávání semene včetně zásobních proteinů a oleosinů a transkripčních regulátorů WRINKLED1, ABI3 a AGL15/18.

Transgenní rostlina s overexprimovaným genem *FUS3* (8 týdnů)

Interakce *FUS3*, *ABI3* a hormonů během embryonického vývoje

- Expresce *FUS3* v epidermis je závislá na gradiendu auxinu
- *FUS3* indukuje syntézu ABA => zpětná vazba = ABA stabilizuje funkci *FUS3*
- *FUS3* blokuje syntézu GAs
- ABA migruje do mezofylu a indukuje spolu s *ABI3* akumulaci zásobních proteinů (SSP – seed storage proteins)



Update 2022

Yang S, Chen Q (2022)
Plant Cell, Tissue and Organ
Culture 150: 1-13

Review o funkcích proteinu FUS3
v rostlinách.

- *FUS3* kontroluje hladinu auxinů prostřednictvím YUCCA4

Vliv ABA na vývoj embrya – funkce ABI5 a SHB1

ABA stimuluje tvorbu endospermu.
ABA redukuje růst embry – mechanizmus není znám.

Mutant aba2 (abscisic acid-deficient 2) – overexprese SHB1 a downregulace ABI5

ABI5 (ABscisic acid Insensitive 5) – transkripční faktor typu basic/region leucine zipper; potlačuje expresi SHB1

SHB1 (Short Hypocotyl under Blue 1) – kóduje nukleární a cytoplazmatický protein zapojený ve světelné signalizaci, vývoji semen a kvetení. Jeho funkce však není známa.



Další ABA-indukované proteiny pozdní fáze embryogeneze zapojené v indukci tolerance k vysychání

- heat-shock proteiny
- LEA proteiny (Late Embryogenesis-Abundant)
- proteiny příbuzné LEA – geny obsahují ABRE motiv

Mechanismus tolerance
k vysychání?



LEA proteiny mohou vázat buněčné komponenty formováním amorfních spirál, chránících obsah buňky před poškozením.

Syntéza těchto proteinů se zvyšuje v embryu torpéдовitého stádia, kdy se syntéza zásobních proteinů snižuje.

LEC1 (LEAFY COTYLEDON1) – embryo rostliny s mutací v tomto genu není schopno přežít vysušení a proto není schopno vstoupit do dormance; chybí zásobní protein 7S.

Gen **LEC1** je nutný pro embryogenezi a funguje jako **represor** vegetativního vývoje.

Protein **LEC1** je atypická subjednotka jaderného transkripčního faktoru Y (NF-Y) – **CCAAT-binding transkripční faktor**. Centrální regulátor mnoha aspektů vývoje semene.

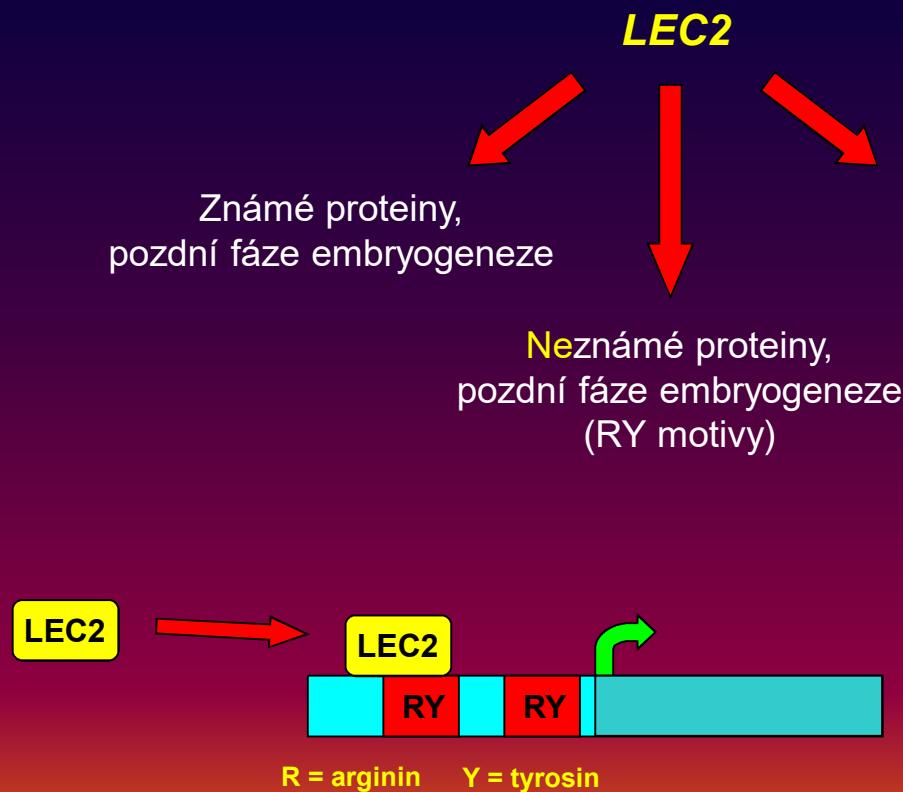


Update 2015

Huang M et al. (2015) Plant Cell 27: 3099 – 3111

LEC1 stimuluje expresi genů spojených s prodlužováním hypokotylu. **LEC1** interaguje s proteinem PIF4 (PHYTOCHROME INTERACTING FACTOR 4; hlavní transkripční modulátor v post-embryonickém vývoji) prostřednictvím přímé vazby s G-box elementem.

LEAFY COTYLEDON2 (LEC2) – nezbytný pro embryogenezi v pozdní dozrávací fázi vývoje embrya



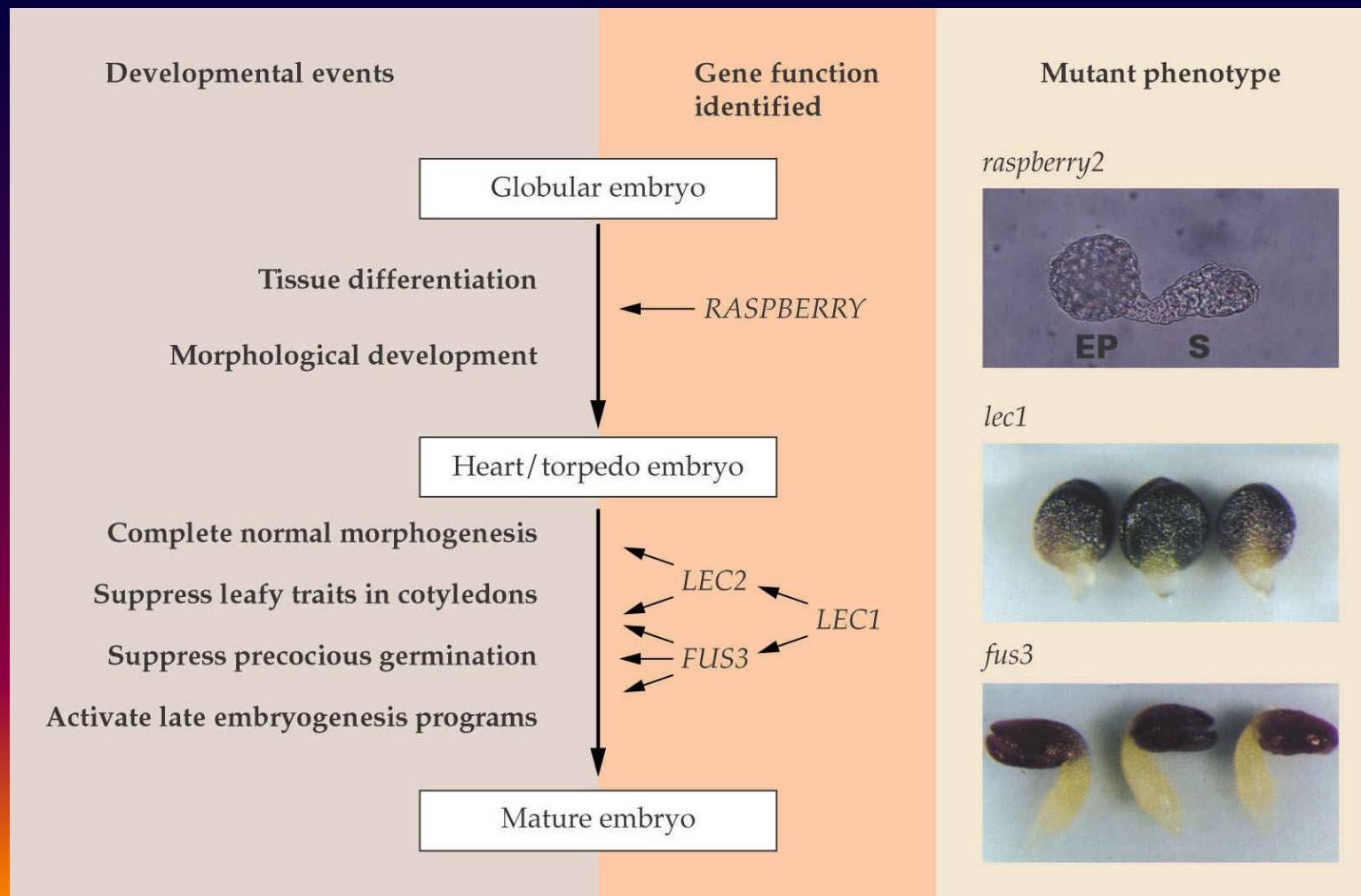
Proteiny akumulované v ranné fázi embryogeneze (vzniká zygota)

AGL15 – v pletivech procházejících zygotickou či somatickou embryogenezí

IAA30 – kóduje skupinu proteinů zapojených v signální dráze auxinů a obsažených v buňkách kořenového apikálního meristému

LEC2 hraje pravděpodobně roli v somatické embryogenezi, a to prostřednictvím auxinů

Geny kontrolující ranný a pozdní vývoj embrya

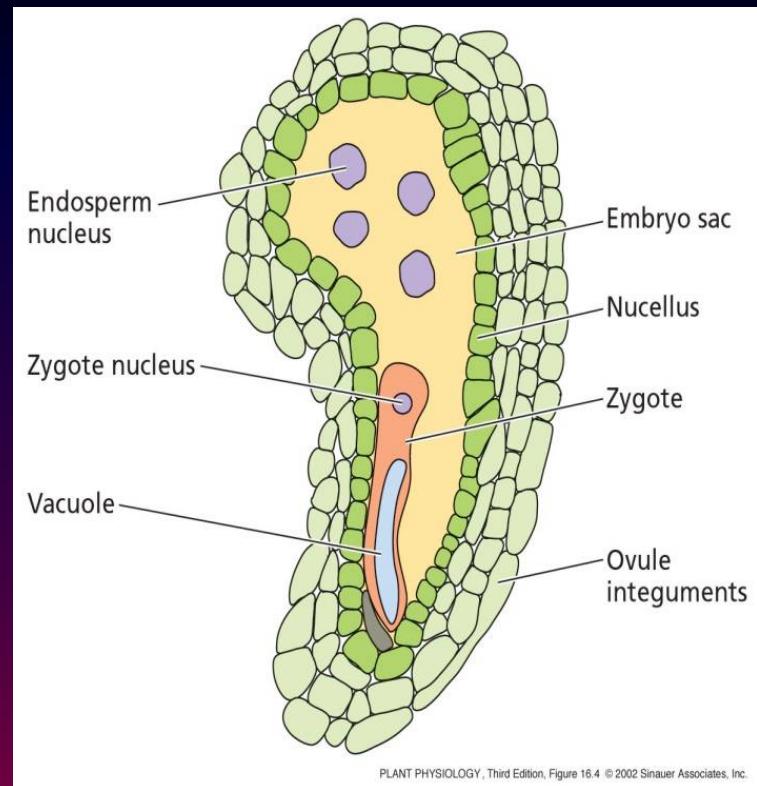


i) Vývoj endospermu

Endosperm – tkáň shromažďující rezervy do doby, kdy je vyvíjející se embryo absorbuje do svých děloch

Nevýrazný endosperm (sója, hráč, salát, rajče) – minimální zásobní funkce endospermu

Výrazný endosperm (fazole) – endosperm je hlavní zásobárna; obsahuje živé buňky s proteiny a tuky; obsahuje mobilizační enzymy



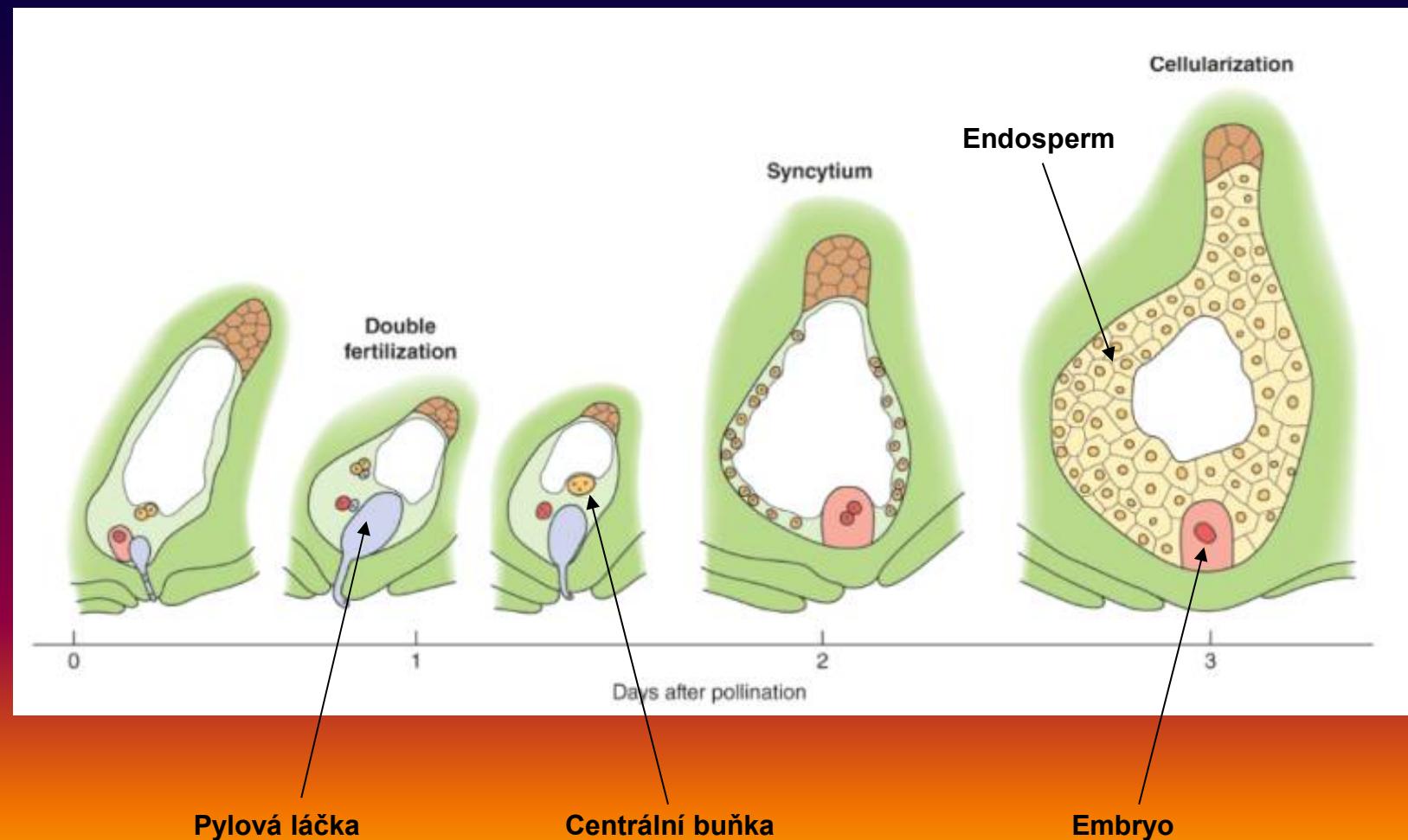
Buněčný endosperm – s dělením jader buněk endospermu se vyvíjí i buněčná stěna

Jaderný endosperm – jádra buněk se dělí, ale netvoří buněčná stěna, vzniká **syncytium** – pletivo, které se skládá z cytoplazmy obsahující mnoho jader, která však nejsou oddělená v buňkách. Buněčná stěna se může tvořit později.

Příklad: kokosový ořech – rostlina s jaderným endospermem; bílá část je syncytiaální endosperm, který začíná tvořit buňky, kokosové mléko je syncytium.

Tvorba kukuričného endospermu

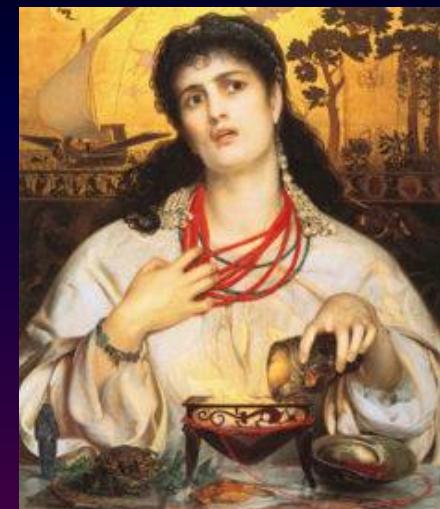
1. Dělení endospermového jádra bez tvorby buněčné přepážky – tvorba syncytia
2. Celularizace – vznik endospermu směrem do středu endospermální dutiny



MEDEA – protein kontrolující vývoj endospermu a navíc expresi sama sebe (MEDEA v ♀ kontroluje MEDEA v ♂ = udržuje ho v klidu)

Mutace ve vývoji endospermu

- zasahující biosyntézu rezerv
- zasahující morfologii endospermu



Mutant defective endosperm (de) – ukazuje potlačenou tvorbu proteinu zeinu v endospermu kukuřice. Gen **DE** kontroluje tvorbu signálního peptidu v 19 kD α -zein proteinu

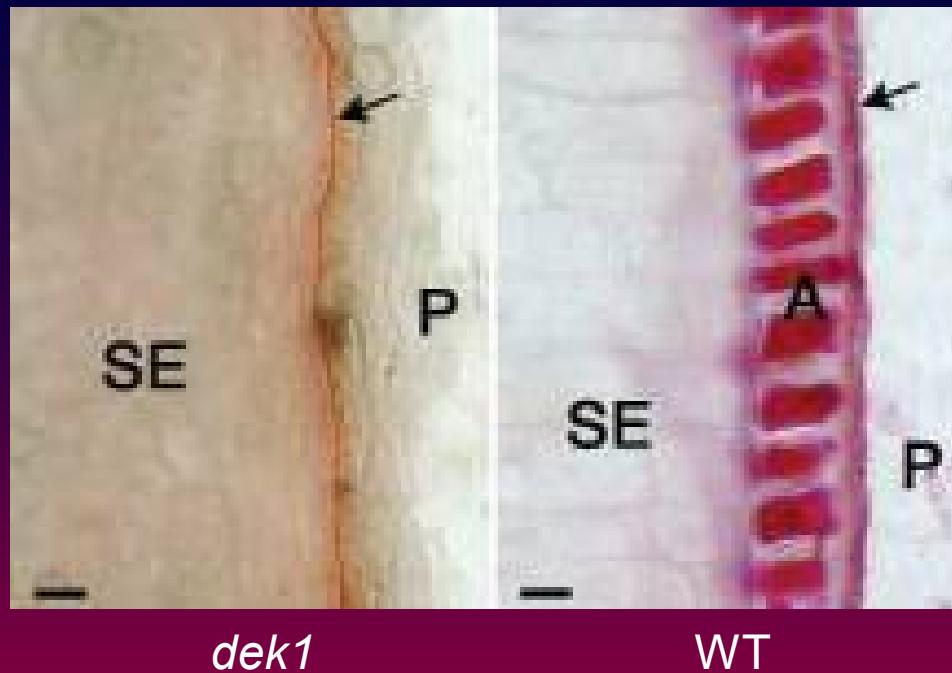
Mutant crinkly 4 (cr4) – nevytváří aleuronovou vrstvu; gen **CR4** kóduje receptor-like kinázu

Update 2016

Czyziewicz N et al. (2016) J Exp Botany 67: 4835 – 4847

Review o funkci CR4 u *Arabidopsis*: vývoj embrya, stonku, kořene, obrana rostlin; struktura proteinu CR4, jeho substráty a transkripční regulace.

Mutant **defective kernel 1 (dek1)** – nevytváří aleuronovou vrstvu, místo ní vytváří škrobové buňky; gen **DEK1** udržuje a omezuje osud aleuronových buněk daný genem **CR4**.



SE = buňky endospermu

P = perikarp

A = aleuronové buňky

Update 2016

Bernardi J et al. (2016) J Plant Regul 35: 770 – 777

Mutant **dek18** – defekt ve vývoji zrna kukuřice; nízká hladina auxinu; vegetativní vývoj opožděn; snížení exprese genů zapojených v biosyntéze auxinů => **DEK18** je zapojen v biosyntéze auxinů.

Update 2019

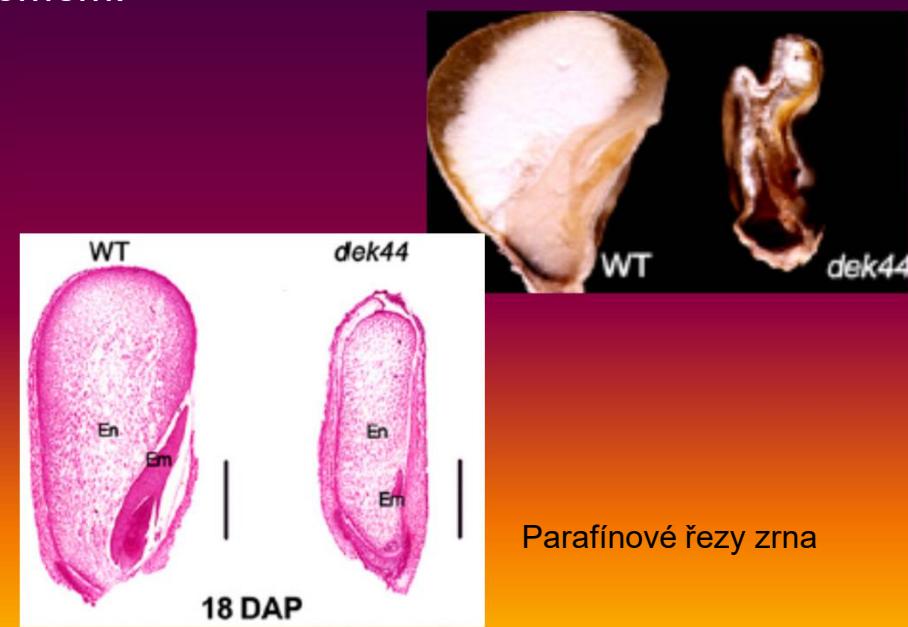
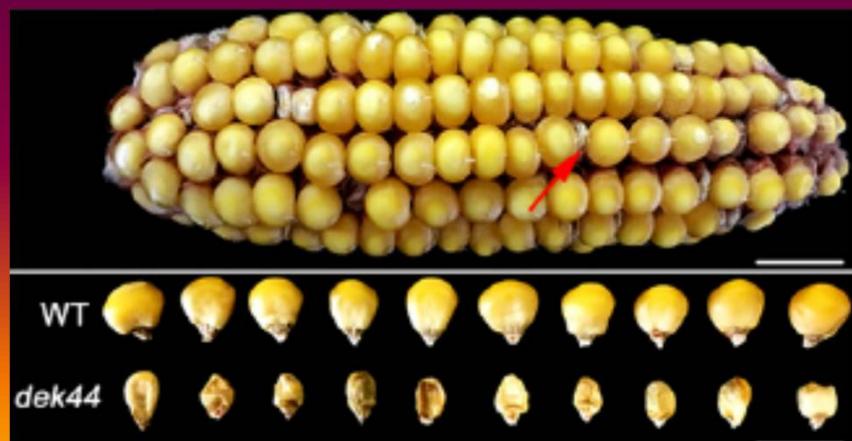
Qi W et al. (2019) Plant Physiology 180: 2106-2119

Mitochondriální respirace závisí na proteinech kódovaných nukleárním a mitochondriálním genomem. Mnoho proteinů spojených s respirací je kódováno mitochondriálním genomem a prochází translací na mitochondriálních ribozomech.

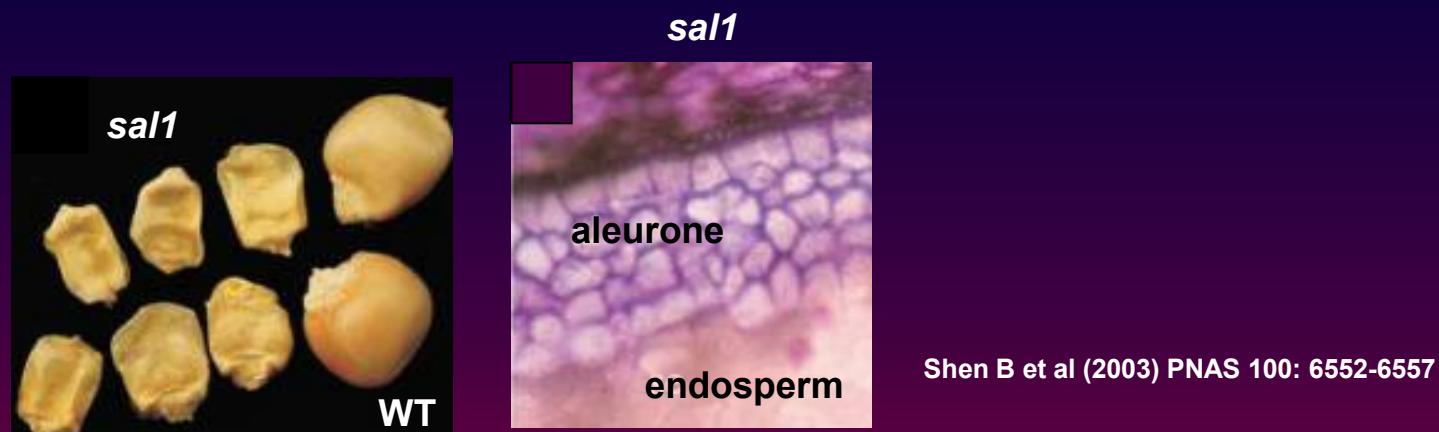
Mutant ***defective kernel 44 (dek44)*** – produkuje malá zrna ukazující embryo-letální fenotyp; *DEK44* kóduje ribozomální 50S protein L9; lokalizován v mitochondriích a pouze v zrnech

Ztráta proteinu DEK44 narušuje expresi řady proteinů zapojených v dýchacím řetězci a kódovaných jaderným i mitochondriálním genomem.

Klas kukuřice F2 *dek44* x B73



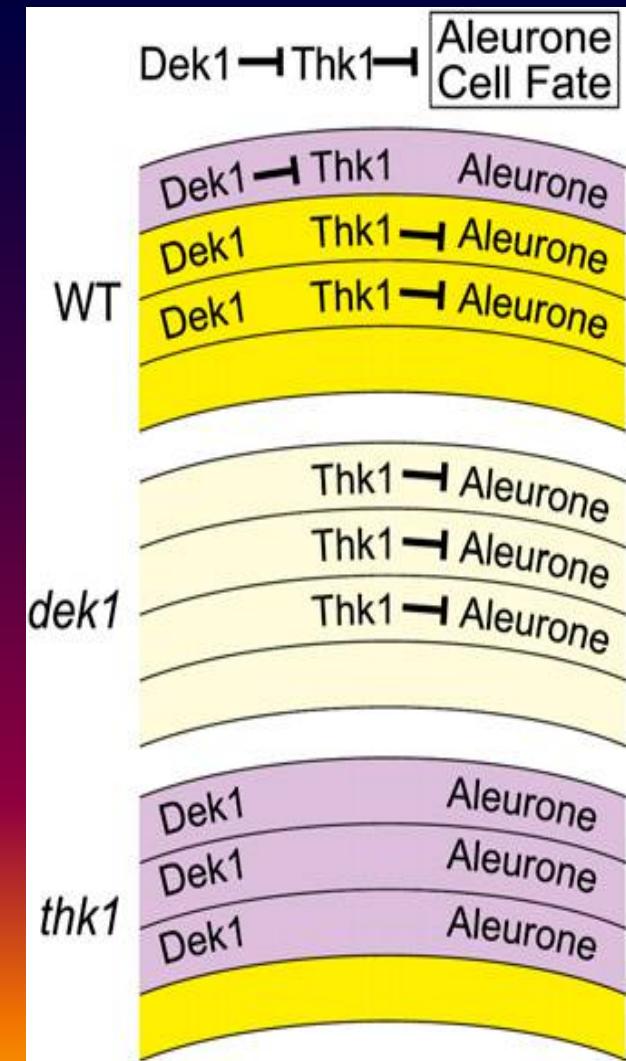
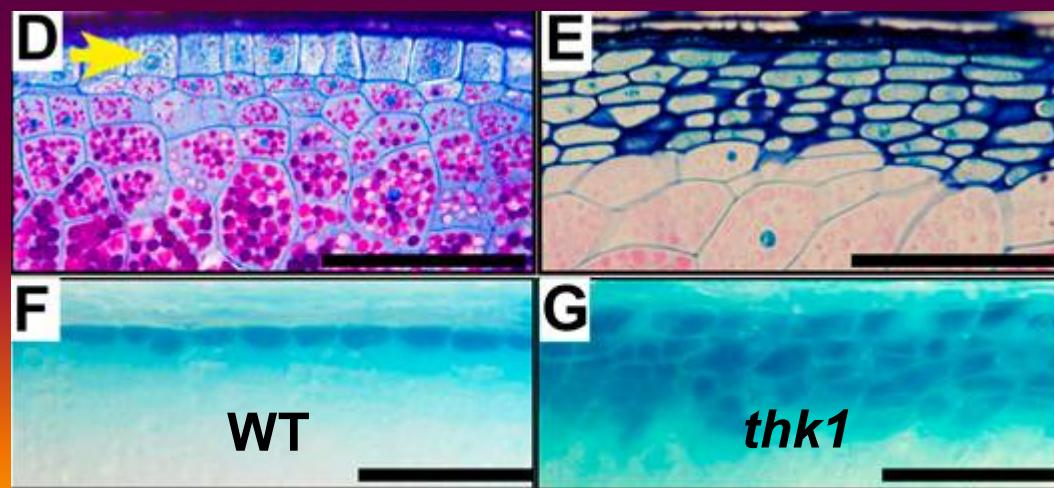
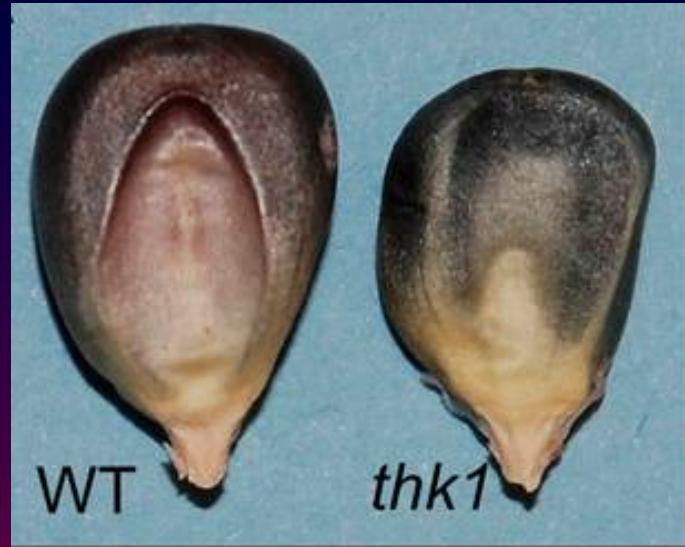
Mutant *supernumerary aleurone layers 1 (sal1)* – místo jedné vytváří 7 aleuronových vrstev; gen **SAL1** kóduje protein homologní s lidským CHMP1 proteinem zapojeným v transportu membránových vezikul



Model vzájemné kooperace genů *DEK1*, *CR4* a *SAL1* ve vývoji aleuronu a endospermu:

- *DEK1* přijímá a přenáší signál o tom, kde se aleuronová vrstva má tvořit.
- *CR4* zprostředkuje pohyb tohoto signálu mezi aleuronovými buňkami.
- *SAL1* udržuje potřebnou koncentraci proteinů *DEK1* a *CR4* v plazmamembráně pomocí recyklace či degradace endozomů.

Mutant ***thick aleurone 1 (thk1)*** – definuje novou negativní funkci v regulaci diferenciace aleuronu



Pracovní model regulace proteinu CONSTANS při určování velikosti semen v závislosti na fotoperiodě.

